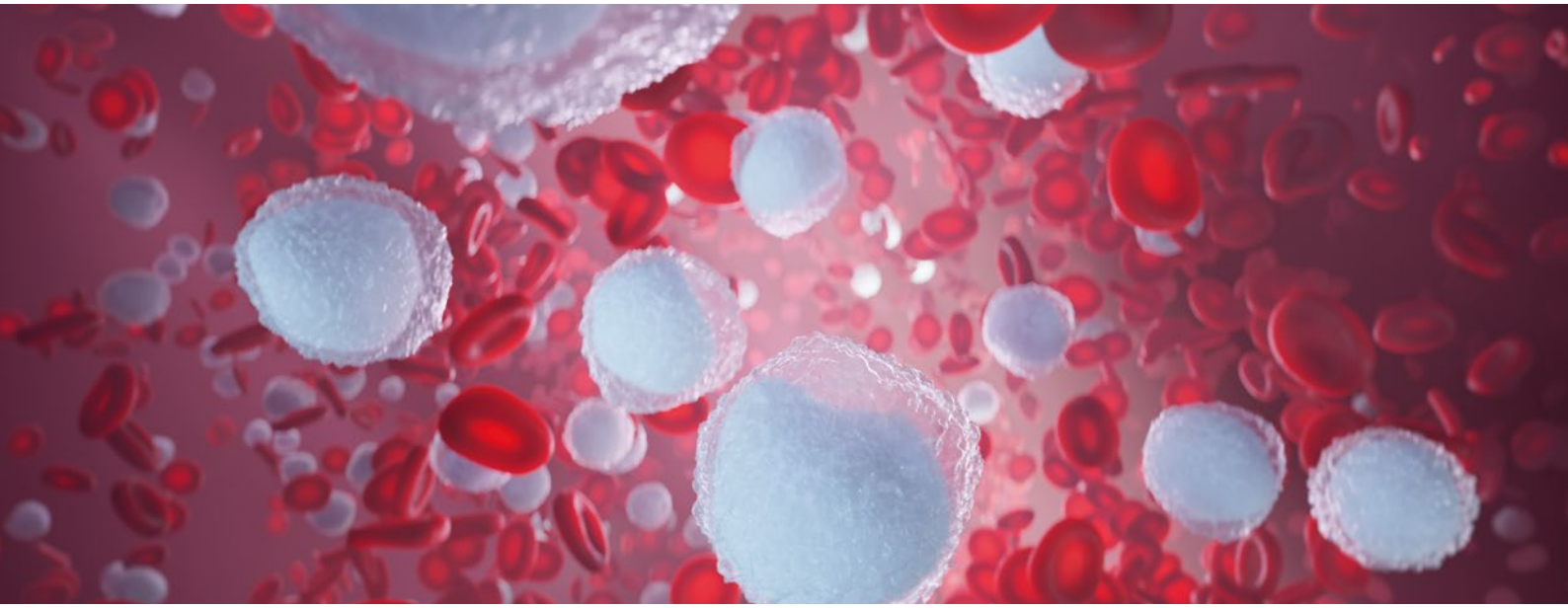
sysmex | Together for a better healthcare journey

## Hämatologische maligne Erkrankungen im Fokus

# SureSeq™ NGS Portfolio



Entdecken Sie unser Portfolio von NGS-Panels für die Untersuchung hämatologischer Malignome, sowie Kits für die Library-Vorbereitung und NGS-Analysesoftware für den genauen Nachweis eines breiten Spektrums genetischer Aberrationen.

SureSeq™ NGS-Panels wurden in Zusammenarbeit mit Krebsexpertinnen und -experten entwickelt, um den relevantesten Geninhalt zu gewährleisten. Durch hybridisierungsbasierte Anreicherung bietet SureSeq™ eine unvergleichliche Vollständigkeit und Einheitlichkeit der Abdeckung bei wichtigen Biomarkern wie *NPM1*, *CEBPA* und *FLT3*-ITDs.

**Verbesserte Erkennung von komplexen Varianten**
SNVs, Indels, ITDs, PTDs, CNVs, LOH und Translokationen. VAF bis hinunter zu 0,01 %.

**Nahtlose Anpassung**
Wählen Sie aus über 1000 voroptimierten genomischen Targets, um Ihr SureSeq myPanel individuell anzupassen.

SureSeq

**Universal NGS Workflow Solution V2**
Ein vereinfachtes Reagenziensystem, das für eine hohe Performance und eine geringe Hands-on-Zeit optimiert ist.

**Interpret NGS Analysis Software**
Kostenlose unbegrenzte Nutzung unserer konfigurierbaren und leistungsstarken Software. Lokal installiert oder in der Cloud.

## Verfolgen Sie Ihre myeloische Probe von der Charakterisierung bis zum Monitoring

### SureSeq™ Core MPN (+ BRC-ABL) Panel

- **Abdeckung wichtiger MPN-Treibermutationen:** Beinhaltet *CALR*, *JAK2*, *MPL*-SNVs und Indels bis zu 1 % VAF; anpassbar durch Hinzufügen der *BCR-ABL*-Translokation
- **In einem Tag von der Probe zur Sequenzierung:** Effiziente Library-Vorbereitung und 30-minütige Hybridisierung

### SureSeq™ Myeloid Plus Panel

**Mittelgroßer Inhalt:** Nachweis von SNVs und Indels in 49 Genen, die bei myeloischen Malignomen eine Rolle spielen, bis zu einem VAF von 2,5 % (einschließlich des robusten Nachweises von *FLT3*-ITDs und *KMT2A*-PTDs), zusammen mit 44 SNPs als ID-Marker und 4 Genen des Gonosoms

### SureSeq™ Pan-Myeloid Panel

**Umfassender Inhalt:** Zuverlässige Erkennung von SNVs und Indels mit niedriger Frequenz bis zu 1 % VAF in 70 Genen, die bei myeloischen Malignomen eine Rolle spielen, einschließlich robuster Erkennung von *FLT3*-ITDs und *KMT2A*-PTDs

### SureSeq™ Myeloid Fusion Panel

- **RNA-basiert, gemäß den neuesten WHO-Leitlinien:** Nachweis von 30 häufigen myeloischen Fusionen
- **Partnergen-agnostisches Panel:** Entdeckung neuer Fusionspartner in einem einzigen kosteneffizienten Assay, einschließlich *KMT2A* und *MECOM*

### SureSeq™ Myeloid MRD Panel

- **Ultra-niedrige Detektionsgrenze:** flexibler Workflow, der darauf ausgelegt ist, niederfrequente Varianten bis zu einer möglichen VAF von 0,01 % zu detektieren, wobei wichtige Biomarker wie *NPM1*, *CEBPA* und *FLT3*-ITDs sicher erkannt werden
- **Leitliniengesteuerte Geninhalte:** Erkennung von SNVs und Indels in 45 Hotspot-Exons in 13 Genen, die mit einer genauen MRD-Erkennung in AML-Proben assoziiert sind – einschließlich MDS- und MPN-implizierten Genen

## Gewinnen Sie tiefere Einblicke in den Verlauf einer CLL

### SureSeq™ CLL + CNV V3 Panel

- **Aktueller evidenzbasierter Inhalt:** erweiterte Genabdeckung für *TP53*, *BTK* und *PLCG2*, sowie Einbeziehung von *BCL2* und *NRAS*
- **Hervorragende Einheitlichkeit und Tiefe der Abdeckung:** SNVs und Indels mit niedriger Frequenz bis zu 1–2,5 % VAF in 16 Genen
- **Überlegene somatische CNV-Erkennung:** in den 5 häufigsten Regionen mit bis zu 20 % Tumoranteil

## Entdecken Sie unsere Komplettlösung

### Universal NGS Workflow Solution

- **Kostengünstige Komplettlösung:** Alle erforderlichen Reagenzien für die Vorbereitung von Libraries sind enthalten und so ausgewählt, dass keine kostenintensive unterstützende Hardware erforderlich ist
- **Beschleunigter Arbeitsablauf:** Multienzymatische Fragmentierung, Endreparatur und A-Tailing in einem Arbeitsschritt. Nutzen Sie den gleichen Workflow für alle Panels.
- **Hohe Effizienz des Multiplexing:** Zuverlässige Ergebnisse für 24 oder 96 Proben mit Unique Dual Index (UDI)/Unique Molecular Index (UMI)

### Interpret NGS Analysis Software

- **Erkennung einer Vielzahl von Aberrationen:** von seltenen SNVs und Indels bis hin zu großen strukturellen Deletionen, einschließlich CNVs und Translokationen
- **Umfangreiche Anpassungs- und Filteroptionen:** für Varianten- und Batch-Berichte sowie Datenbankverknüpfungen, um allen Anforderungen des Labors gerecht zu werden
- **On-Prem oder On-Cloud:** Flexible Optionen für die Softwarenutzung mit lokaler Installation oder in der Cloud

SureSeq™: Nur für Forschnungszwecke. Der Hersteller hat keine Validierung für den Einsatz als In-vitro-Diagnostikum durchgeführt.

Vertrieb Deutschland: Sysmex Deutschland GmbH · www.sysmex.de
Hersteller SureSeq™: OGT · www.ogt.com

www.sysmex.de/molekulardiagnostik

DE0312.DE.N.11/25